

Identification moléculaire de *Dermatophilus congolensis* dans les troupeaux bovins cliniquement malades des grands élevages de l'Île de Mateba-Boma au Kongo Central, République Démocratique du Congo.

Nzau Paku Rolly^{1,4}, Twabela Tshibwabwa Augustin^{1,3}, Mabi Nza Masumu Joseph¹, Ibanda Kasongo Belange^{1,6}, Bamuene Solo Darius^{2,8}, Madiangungu Kikuta Lucien^{7,8}, Mboma Mburawamba Jean⁶, Kabula Zola Emile¹, Kanonge Lubunda Daddy³, Kebi Kanda Issa⁵, Uмба di M'balu Joachim^{1,2,6}

¹ Université Pédagogique Nationale (UPN), B.P. 8815 Kinshasa-Ngaliema.

² Université Président Joseph KASA VUBU (UKV), B.P. 314 Boma/Kongo Central

³ Laboratoire Vétérinaire Central, Service de Virologie

⁴ Institut National de Recherche Biomédicale, Département des Zoonoses

⁵ Grands Elevage de Boma SARL

⁶ Université Loyola du Congo (ULC), Faculté des Sciences Agronomiques et Vétérinaires

⁷ Université de Lubumbashi (UNILU), B.P. 1825 Lubumbashi, 2 route Kasapa

⁸ Université Catholique du Congo (UCC), B.P. 1534 Kinshasa/Limete, Tél. +243 84 049 86 27

Corresponding author email : joachimumba@yahoo.fr cellphone : + 243 82 22 48 733

Mots clés : Identification moléculaire, *Dermatophilus congolensis*, Bovins malades, Grands élevages et Boma

Keywords : Molecular identification, *Dermatophilus congolensis*, Sick cattle, Large livestock farms and Boma.

Submitted 16/11/2024, Published online on 31st January 2025 in the [Journal of Animal and Plant Sciences \(J. Anim. Plant Sci.\) ISSN 2071 – 7024](#)

1. RESUME

La dermatophilose bovine est une dermatite exsudative qui affecte principalement les bovins, les moutons et les chevaux mais également les chèvres, les chiens, les chats, les reptiles et occasionnellement l'homme (INRAB, 2016). Elle est connue depuis très longtemps et sévit principalement dans la région subsaharienne. La forme clinique de la maladie est plus grave et marquée essentiellement par une chute de production animale, amplifiée avec l'infestation par la tique *Amblyomma variegatum*. Elle est causée par un actinomycète, bactérie à Gram positive. La maladie se manifeste dans plusieurs élevages bovins en RD Congo mais plus particulièrement dans les troupeaux bovins de race Nellore et Red Sindhi importés du Brésil dans les Grands Elevages de Boma. L'objectif de cette étude est de mener une analyse moléculaire afin de mettre en évidence la présence de l'ADN bactérien à partir des croûtes collectées. Sur un total de 11 sous-troupeaux des bovins cliniquement déclarés atteints de la dermatophilose, 2 sous-troupeaux ont été pris en compte dans le cadre de cette étude à cause de leur accessibilité, dont Vungu et Pasakonde.

**ABSTRACT**

Bovine dermatophilosis is an exudative dermatitis that mainly affects cattle, sheep and horses but also goats, dogs, cats, reptiles and occasionally humans (INRAB, 2016). It has been known for a very long time and is mainly prevalent in the sub-Saharan region. The clinical form of the disease is more serious and is marked mainly by a drop in animal production, amplified by infestation by the tick *Amblyomma variegatum*. It is caused by an actinomycete, a Gram-positive bacterium. The disease occurs in several cattle farms in the DR Congo but more particularly in Nellore and Red Sindhi cattle herds imported from Brazil into the Grands Elevages de Boma. The objective of this study is to conduct a molecular analysis in order to highlight the presence of bacterial DNA from the collected scabs. Out of a total of 11 sub-herds of cattle clinically declared to be affected by dermatophilosis, 2 sub-herds were taken into account in this study because of their accessibility, including Vungu and Pasakonde.